



**CORSO SIGA  
"BIOINFORMATICA APPLICATA ALLA GENOMICA AGRARIA"**

*Salsomaggiore Terme, 11-15 Aprile 2011*

La Società Italiana di Genetica Agraria comunica l'organizzazione del Corso "BIOINFORMATICA APPLICATA ALLA GENOMICA AGRARIA" che si svolgerà da Lunedì 11 a Venerdì 15 Aprile 2011 a Salsomaggiore Terme (PR).

Il corso è rivolto a ricercatori del settore pubblico e privato, a dottorandi, borsisti ed assegnisti di ricerca svolgenti attività nel campo della genetica agraria ed è aperto ad un massimo di 50 partecipanti.

L'obiettivo primario è quello di offrire una panoramica sulle metodologie di bioinformatica per l'analisi genomica nei suoi aspetti strutturali e funzionali, mettendo in primo piano approcci basati su "next generation sequencing".

Il corso prevede un test di valutazione finale (facoltativo) dei partecipanti, in modo da poter rilasciare, a chi lo desidera, l'attestato di partecipazione con valutazione finale.

Il corso sarà organizzato come da programma allegato.

L'alloggio ed il corso sono previsti presso l'Hotel Primarosa (Via Valentini 12, Tel. 0524 575549, Fax 0524 573954, <http://www.hotelprimarosa.it/>) a Salsomaggiore (PR) Terme località facilmente raggiungibile con i trasporti pubblici. Gli interessati a partecipare al Corso sono pregati di compilare l'allegata scheda di pre-registrazione e di inviarla via e-mail entro il 20 Marzo 2011 alla dr.ssa Valeria Terzi ([valeria.terzi@entecra.it](mailto:valeria.terzi@entecra.it)), specificando "Corso SIGA" nell'area subject del mail. Entro il 31 Marzo i candidati prescelti saranno contattati dalla Segreteria SIGA per le istruzioni relative al versamento della quota di partecipazione. La domanda di ammissione al corso è scaricabile anche dal sito della Società all'indirizzo <http://www.geneticagraria.it>. Ogni partecipante si impegna, per l'intera durata del corso, a frequentare regolarmente e attivamente tutte le lezioni e le attività didattiche previste. Alla fine del corso sarà consegnato il diploma di partecipazione a firma del Presidente SIGA.

Il costo del corso è di 450 Euro, compreso di spese per l'alloggio in regime di pensione completa. Per chi desiderasse non usufruire dell'alloggio in regime di pensione completa, il costo è di Euro 250,00. Il prezzo dei singoli pasti è di Euro 15,00 da pagare direttamente in loco.

*Il Segretario*

prof. Edgardo Filippone

**Direttori del corso:** Dott.ssa Valeria Terzi (CRA-GPG) e Prof. Nicola Pecchioni (UNIMORE)



SOCIETÀ ITALIANA DI GENETICA AGRARIA

CORSO: "BIOINFORMATICA APPLICATA ALLA GENOMICA AGRARIA"

Salsomaggiore Terme, 11-15 aprile 2011

### **Programma definitivo**

#### **Lunedì 11 aprile**

*In mattinata, arrivi e sistemazione*

14.30-14.45 Introduzione al corso (Valeria Terzi, CRA-GPG, Fiorenzuola d'Arda)

14.45-16.00 Impatto delle nuove tecnologie di sequenziamento sull'analisi strutturale e funzionale dei genomi di interesse agrario. (Massimo Delledonne, UNIVR)

16.30-18.30 Gestione ed analisi di dati di sequenza genomici (Paolo Fontana, IASMA, Trento)

#### **Martedì 12 aprile**

09.30-11.00 Introduzione agli approcci di Next generation sequencing: attualità e prospettive (Federica Cattonaro, IGA, Udine)

11.30-13.30 Fondamentali sull'assemblaggio delle sequenze (Alberto Policriti, Istituto di Genomica Applicata, Udine)

15.00-17.00 Allineamento di sequenze nell'era dei NGS (Cristian Del Fabbro, Istituto di Genomica Applicata, Udine)

#### **Mercoledì 13 aprile**

09.00-11.00 SNP per analisi struttura di popolazione e association mapping (Alessandro Tondelli, CRA-GPG, Fiorenzuola d'Arda -PC)

11.30-13.00 Ricerca SNP da dati di next generation sequencing. (Barbara Lazzari, PTP Lodi)

14.30-16.30 Analisi di dati di espressione genica: Microarray vs ngs (Alberto Ferrarini, Università di Verona)

#### **Giovedì 14 aprile**

09.00-11.00 Identificazione di microRNA da dati di next generation sequencing (Primetta Faccioli, Moreno Colaiacovo, CRA-GPG, Fiorenzuola D'Arda -PC)

11.30-13.00 Genome Sequencer 454/Roche, analisi Post-sequenziamento di *long reads* attraverso l'uso dei software dedicati 454 (Michele Iacono, Roche Diagnostics)

14.30-16.00 Empowering New Science through advances in Next-Generation Sequencing: Technology, Applications and Data Analysis Workflow (Marco Cappelletti, Rossana Scavelli - ILLUMINA)

16.30-18.00 Tecnologia SOLiD

#### **Venerdì 15 aprile**

9.00-10.30 Metodi bioinformatici per l'indagine filogenetica e la tassonomia (Lorenzo Cecchi, Università di Firenze).

10.30-12.00 Le prospettive della bioinformatica nella genetica agraria (Giorgio Valle, Università di Padova)

12:00-12.30 Consegna attestati di partecipazione (Prof. Antonio Blanco, Presidente SIGA)